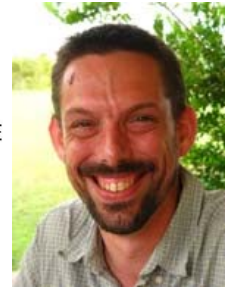




CENTRE D'ÉCOLOGIE
FONCTIONNELLE
& ÉVOLUTIVE



Mardi 17 novembre 2015, 11:00

Grande salle de réunion

BARCODING ADN ET TRAITS FONCTIONNELS POUR L'ÉTUDE DE LA DYNAMIQUE DES COMMUNAUTÉS DE VERS DE TERRE TROPICAUX

par

Thibaud Decaëns, CEFÉ, Montpellier

- La plupart des invertébrés du sol sont caractérisés par un important déficit taxonomique. Les vers de terre ne dérogent pas à ce constat, les quelques 6.000 espèces actuellement décrites ne représentant probablement pas plus de la moitié de la diversité réelle de ce groupe. La taxonomie de ce groupe est particulièrement mal résolue dans les régions tropicales, entraînant des difficultés d'identification, ou simplement de délimitation des espèces, et un manque particulièrement criant d'études notamment dans le domaine de l'écologie des communautés. Le barcoding ADN a été proposé comme un outil intéressant pour contrer ce problème en permettant notamment l'utilisation de proxy moléculaires d'espèces pour décrire la diversité et la structures des communautés dans des régions où la taxonomie est encore méconnue.
- Nous présentons ici les résultats d'un projet débuté en 2010 qui nous a conduit à échantillonner les vers de terre dans 8 localités forestières en Guyane Française. Le code-barres ADN standard du gène COI a été séquencé pour plus de 2.500 spécimens, permettant la mise en évidence d'une diversité de vers de terre insoupçonnée. Couplée à l'utilisation de traits fonctionnels, cette approche nous a permis de réaliser une typologie fonctionnelle des vers de terre de la station des Nouragues. L'analyse de la structure fonctionnelle des communautés par projection des relevés d'espèces sur une typologie de référence met en évidence que la plupart des communautés comportent une proportion équivalente des différents groupes fonctionnels préalablement définis. Seuls quelques habitats présentant des contraintes environnementales spécifiques (forêts sur sols profonds et forêts périodiquement inondées) se démarquent de ce schéma général en présentant une représentation plus importante de certains groupes fonctionnels particuliers.