



LE PLATEAU TECHNIQUE INFORMATIQUE

Réunion annuelle 1^{er} avril 2016



QUI FAIT QUOI ?

- Créé en 2013 (ancien GT info)
- Depuis 2014 nouvelle structure : 4 services

Gestion du parc info

Nathalie Viera
Alain Migeon

Communication web

Christine Silvy
PE Gay

Calcul scientifique

Alex Dehne-Garcia
Sylvain Piry

Bioinfo/Biostat

Bernhard Gschloessl
Franck Dorkeld
Odile Fossati



Comité scientifique

JF Martin
Raphaël Leblois

- Référents (depuis juil. 2015) : Nathalie V, Alex DG, Bernhard G



INTERNET

C. Moreau (contenu), C. Silvy (contenu & maintenance)
& P.E. Gay (maintenance & version anglaise)

- Extranet : www6.montpellier.inra.fr/cbgp
- Intranet : intranet.montpellier.inra.fr/cbgp
- Accès direct aux réservations depuis l'extérieur :
www1.montpellier.inra.fr/CBGP/software/resa/index.php

- Mise à jour d'eZPublish au 24 mars 2016 :
 - Points positifs : largeur écran, lisibilité
 - Points négatifs : esthétique, problèmes de connexions en cours de résolution, etc.
- Pages agents :
 - Contenus assez pauvres
 - Signalement sites à mettre en lien (sites perso, sites thématiques)
 - Traduction des pages perso, des pages des doctorants et post-docs par défaut à la charge des auteurs
- Groupe de travail : P.E. Gay, J.F. Martin, A. Migeon, C. Moreau, J.P. Rossi, C. Silvy, C. Tatard & R. Vitalis
- Suite ? Logo, bannière...




CELLULE DE COMMUNICATION DU GAS

P.E. Gay et C. Silvy (coordination J. Le Fur)

- Contact avec les intervenants : questions pratiques, récupération des diaporamas, etc. (prise de contact initiale et mise au point des sujets : animateurs GT concernés)
- Affichage externe : listes diffusion Evm, Cemeb, Inra Infosciences, Campus de Baillarguet, IRD
- Affichage interne
- Mise à jour de la page web : annonces, mise en ligne des résumés et diaporamas

www6.montpellier.inra.fr/cbgrp/Seminaires
vminfotron-dev.mpl.ird.fr:8080/cbgrp-gas/

- Module de navigation par mots-clés en développement (J. Le Fur)
- Mise en place de la grande salle de réunion 



WIKIS

WWW1.MONTPELLIER.INRA.FR/CBGP/WIKIS/DOKU.PHP

P.E. Gay

- 7 wikis :
 - Biologie moléculaire, Collections, Parc informatique, Bioinformatique, SEPA
 - Administration, Biodiversa (ébauches)
- Gestion technique : mises à jour, droits accès, sécurité, implantation, etc.
- Pas de rôle éditorial : chaque wiki dispose de son propre rédacteur
- Attention aux contenus ! (droits) : wikis accessibles depuis l'extérieur



FONDS DOCUMENTAIRES : INFORMATISATION ET MUTUALISATION

C. Silvy

- Réunion entomologistes/acarologistes octobre 2015 :
 - Informatisation des ouvrages de la bibliothèque de l'extension,
 - Priorité : Taxonomie des insectes,
 - MOO 2 mois janvier-février 2016, bilan et suite

- Collections de tirés-à-parts des chercheurs :
 - Mutualisation des pdf sous U:\commun
 - Proposition également faite aux groupes Rongeurs : chantier à démarrer

- L'inventaire complet des collections de revues papier au CBGP est sur intranet :
intranet.montpellier.inra.fr/cbgb/Service-de-Documentation/Ressources-locales



SERVICE SUPPORT EN BIOINFO/BIOSTAT

- Conseiller les utilisateurs dans l'élaboration de cahier des charges et soutien dans le design expérimental
- Centraliser et diffuser l'information bioinformatique en relation avec le groupe GREMLINS
- Aider à la formation en interne à l'unité et coordonner la mise en place de formations ponctuelles au niveau local.
- Aider au développement ou à l'interfaçage de pipelines d'analyse sur le plateau de calcul (essentiellement avec Galaxy).
- Mise en place des outils (GALAXY, BioMAJ, UCSC) et banques
- Contact via ticket GLPI: 'Bioinformatique'



ACTIVITÉ DE CONSEIL ET APPUIE

- Pour 2014/2015: ~10 demandes par an
- Sujets :
 - Création des outils (parser, script shell, wrapper)
 - Conseil pour mise en place d'analyses bioinfo
 - Appuie analyse : annotation, expression des gènes
 - Mise en place de banques spécifiques

FORMATIONS

- Mise en place des formations à l'aide de Galaxy en collaboration avec le CATI BBRIC :
 - Une formation par an (printemps)
 - 1 à 2 formations au CBGP par an (aussi en collaboration avec le Labex Cemeb)
- Sujets de formation :
 - Introduction Galaxy, nettoyage de séquences NGS, assemblage, annotation, expression différentielle, visualisation, méta-génomique, épigénétique, ...
- Formations prévues pour cette année :
 - CATI BBRIC : 19-20 avril à Paris
 - CBGP/Labex : automne 2016

MISE À DISPOSITION DES OUTILS ET DONNÉES POUR LA GÉNOMIQUE & TRANSCRIPTOMIQUE

UCSC GÉNOME BROWSER

- Visualiser et analyser des données :
<http://ucsc.supagro.inra.fr/>
- Génomes et analyses disponibles:
 - 3 génomes *de novo* (*H. axyridis*, *T. pityocampa*, *O. scapulalis*)
 - Autres espèces modèles: *D. rerio*, *M. musculus*, *R. norvegicus*, *B. tauris*
 - Possibilité de rajouter d'autres espèces à la demande





BioMAJ : BIOLOGIE MISE À JOUR

- Objectif :

Répondre aux besoins des utilisateurs en terme d'analyse et d'annotation de données par la récupération automatique de banques de références et de la production de sous banques dérivées.

- Structure :

Une machine virtuelle dédiée et couplée au cluster.



BIOMAJ : LES BANQUES RÉCUPÉRÉES

Banques

- Protéiques
- Nucléiques
- Autres : Kraken, dérivées

Accessibilité depuis le cluster : **`/dbs/bioinfo/external/`**

```
franck@a01:/dbs$ tree -L 2 bioinfo/external/  
bioinfo/external/  
├── biomaj_dbs  
│   ├── alu  
│   ├── blastdb  
│   ├── ensemblBacteria  
│   ├── genbank  
│   ├── kraken  
│   ├── nr  
│   ├── nt  
│   ├── refseqProt  
│   ├── silva  
│   ├── taxonomy  
└── uniprot
```

GALAXY

- But :
 - Rendre accessible certains outils d'analyse au utilisateurs ponctuels (NGS).
 - Partager les données et les traitements simplement entre utilisateurs.

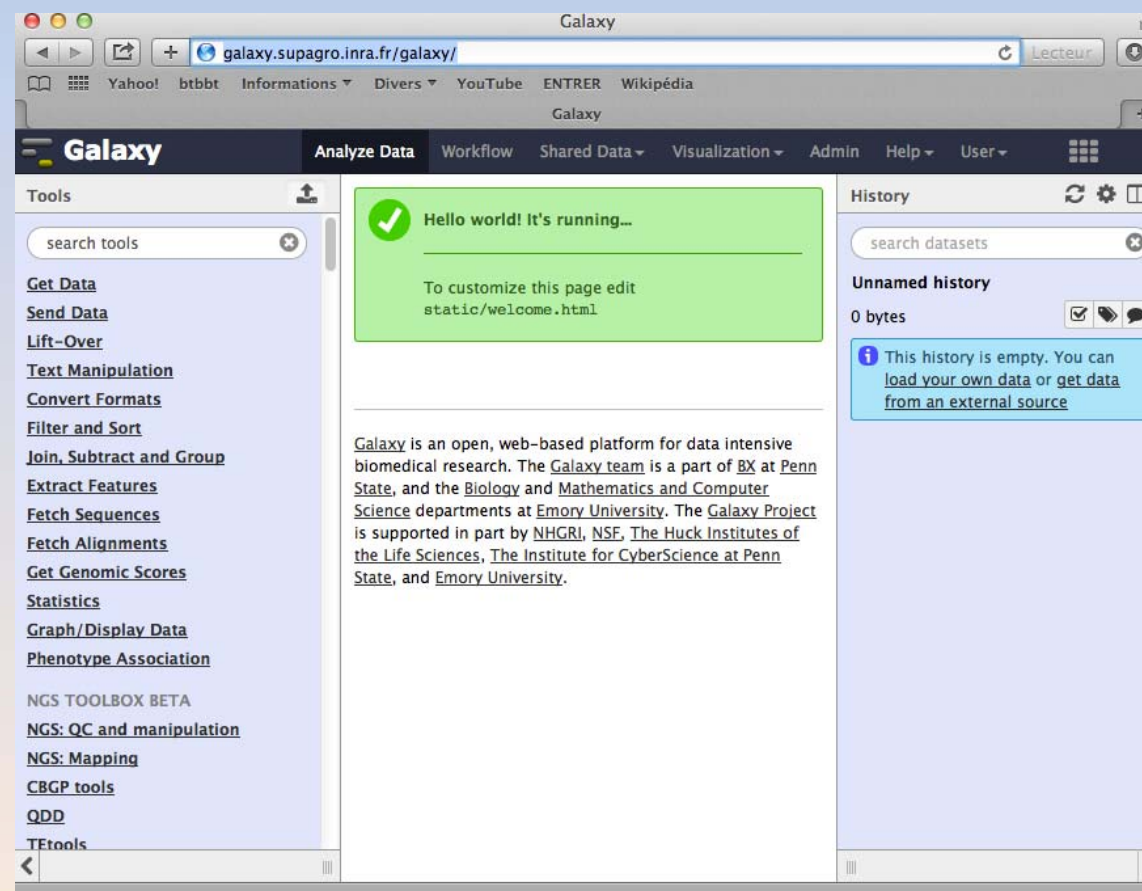
- Structure actuelle :
 - Une machine virtuelle dédiée.

- Outils installés :
 - Outils installés à la demande.
 - Certaines banques de biomaj sont accessibles.



Adresse : <http://galaxy.supagro.inra.fr/galaxy/>

Environ 30 outils





TRAVAUX POUR 2016

- Installer une nouvelle version de Biomaj.
- Installation d'une nouvelle version de Galaxy :
 - Une instance pour développement
 - Une instance pour production
- Finir le couplage Biomaj/Galaxy.
- Rédaction du WIKI pour faciliter l'utilisation des outils bioinfo.
- Organiser une formation Galaxy en collaboration avec Labex Cemeb.